



**Une signalisation lysosomale permet un dialogue
interorganites améliorant l'activité métabolique,
l'homéostasie redox et augmentant la longévité chez
*Caenorhabditis elegans***

Assaf Alassaf, Bernard Mignotte

► **To cite this version:**

Assaf Alassaf, Bernard Mignotte. Une signalisation lysosomale permet un dialogue interorganites améliorant l'activité métabolique, l'homéostasie redox et augmentant la longévité chez *Caenorhabditis elegans*. *Médecine/Sciences*, 2021, 37 (2), pp.192-193. 10.1051/medsci/2020284 . hal-03142495

HAL Id: hal-03142495

<https://hal.uvsq.fr/hal-03142495>

Submitted on 16 Feb 2021

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

NOUVELLE

Une signalisation lysosomale permet un dialogue inter-organites améliorant l'activité métabolique, l'homéostasie redox et augmentant la longévité chez *Caenorhabditis elegans*

Assaf Alassaf¹, Bernard Mignotte^{2,3}

¹M1 Biologie Santé, Université Paris-Saclay, 91405 Orsay, France.

²Université Paris-Saclay, UVSQ, LGBC, 78000, Versailles, France.

³École pratique des hautes études, PSL University, 75014, Paris, France.

assaf.alassaf@u-psud.fr

bernard.mignotte@uvsq.fr

► L'activité métabolique joue un rôle clé dans l'homéostasie cellulaire et sa dérégulation est à l'origine d'une grande variété de maladies. Les lysosomes et les mitochondries sont des organites cellulaires très actifs, impliqués dans le maintien de l'homéostasie métabolique. Les lysosomes contiennent diverses enzymes hydrolytiques capables de digérer des protéines et des lipides, ce qui permet de recycler les constituants cellulaires, contribuant ainsi au maintien de cette homéostasie cellulaire. Dans les mitochondries, se produit la β -oxydation qui correspond à la principale voie catabolique des acides gras pour produire, d'une part, de l'acétyl-CoA, dont le groupe acétyle est oxydé par le cycle de l'acide citrique et, d'autre part, du NADH (forme réduite du nicotinamide adénine dinucléotide) et du FADH₂ (forme réduite du flavine adénine dinucléotide), dont les électrons alimentent la chaîne respiratoire qui contribue à la production de formes réactives de l'oxygène (FRO). Les FRO sont responsables notamment de l'oxydation des acides nucléiques, des

protéines et des lipides, ce qui a pour conséquence une grande variété de lésions dans l'ADN. Les mutations ainsi induites peuvent avoir un impact sur la longévité. Le nématode *Caenorhabditis elegans* constitue un des organismes modèles de choix pour l'étude du vieillissement et de la longévité, notamment en raison de sa facilité d'élevage et sa longévité réduite [1] (→).

Une récente étude de Ramachandran *et al.* parue dans *Developmental Cell* [2], réalisée chez cet organisme, a démontré qu'une voie de signalisation impliquant la LIPL-4 (lipase lysosomale 4) et la LBP-8 (*lipid-binding protein 8*), une protéine qui fixe des lipides digérés par les lipases, est impliquée dans le contrôle de la longévité. Cette étude met en évidence une relation entre la dégradation des lipides au niveau du lysosome et la production mitochondriale de FRO. Cette signalisation lysosomale augmente la longévité ainsi que l'adaptation au stress oxydant chez *C. elegans*.

(→) Voir la Synthèse (série Modèles alternatifs) de R. Litke *et al.*, m/s n° 6-7, juin-juillet 2018, page 571

L'activation de la voie de signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 mobilise les acides gras via une stimulation de la β -oxydation mitochondriale et augmente la longévité

L'induction de la lipolyse lysosomale par la surexpression constitutive de la lipase LIPL-4 dans un modèle transgénique de *C. elegans* déclenche la translocation nucléaire de la chaperonne lipidique LBP-8. Celle-ci active la transcription des gènes *acs-2* (codant l'acétyl-CoA synthétase) et *acd-1* (codant l'acétyl-CoA déshydrogénase), facteurs clés de la β -oxydation mitochondriale [3]. Ainsi, l'activation de la voie de signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 stimule la β -oxydation mitochondriale, une étape essentielle du catabolisme lipidique qui décompose les molécules d'acides gras pour générer de l'acétyl-CoA entrant dans le cycle de l'acide citrique. En réalisant, dans ce modèle de *C. elegans* surexprimant LIPL-4, une mesure de la teneur en acide gras par spectrométrie Raman (une méthode non destructive d'observation et de caractérisation de la composition moléculaire d'un

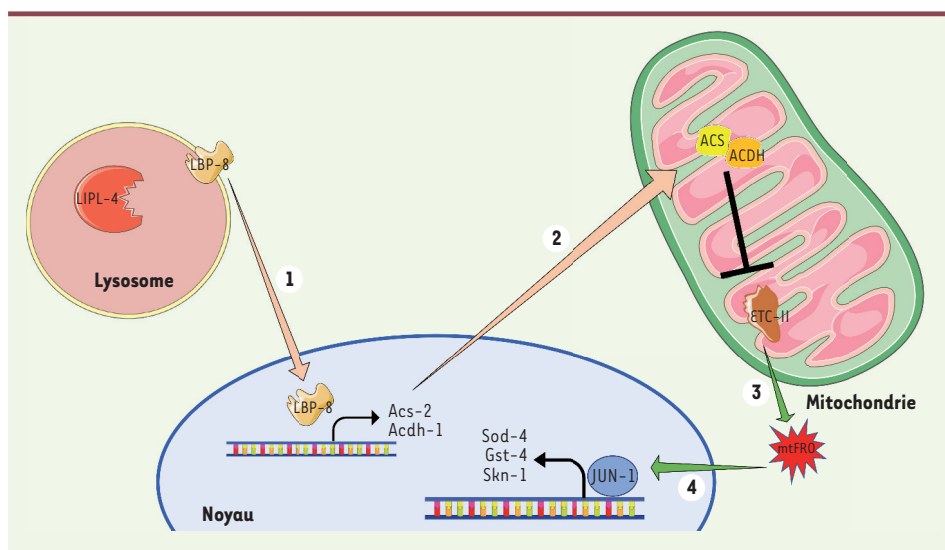


Figure 1. La modulation de l'expression génique par la signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 induit une adaptation au stress oxydant et une augmentation de la longévité chez *C. elegans*. La signalisation LIPL-4-LBP-8 induit une activation des gènes *Acs-2* et *Acdh-1* (1) qui conduit à une inhibition du complexe II de la chaîne de transfert d'électrons (ETC-II) (2). L'inhibition du complexe II induit la production de mtFRO (formes réactives de l'oxygène mitochondriales) (3). Les mtFRO conduisent à leur tour à l'activation de la voie de signalisation JNK

(4) qui contribue à l'adaptation au stress oxydant, et ainsi à l'augmentation de la longévité. *Acs-2* : gène codant l'acétyl-CoA synthétase (ACS) ; *Acdh-1* : gène codant l'acétyl-CoA déshydrogénase (ACDH) ; *Sod-4* : gène codant la superoxyde dismutase ; *Gst-4* : gène codant la glutathion S-transférase ; *Skn-1* : gène codant la protéine skinhead-1.

échantillon), Ramachandran *et al.* ont démontré que l'augmentation de la β -oxydation mitochondriale a pour conséquence de diminuer la teneur en acides gras dans l'intestin, qui est le principal tissu adipeux de *C. elegans*, et est associée à une augmentation de la longévité de l'organisme.

La voie de signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 inhibe le complexe II de la chaîne respiratoire, induit la production de FRO mitochondriaux et améliore la tolérance au stress oxydant via JUN-1

Ramachandran *et al.* ont également montré par spectrophotométrie que l'augmentation de l'activité de la β -oxydation inhibe spécifiquement le complexe II (succinate déshydrogénase) de la chaîne d'oxydoréduction mitochondriale, ce qui aboutit à la production de FRO mitochondriaux [4]. Suite à cette production de FRO, des gènes impliqués dans la réponse au stress sont activés, tels que *JUN-1*. La protéine JUN s'hétérodimérise avec c-Fos pour former AP1 (activator protein 1), un facteur de transcription de la voie JNK (c-Jun N-terminal kinase). AP1 permet la régulation de l'expression de gènes impliqués dans la réponse au stress oxydant tels que les gènes *Sod-4* (codant la superoxyde

dismutase), *Gst-4* (codant la glutathione S-transférase) et *Skn-1* (codant la protéine skinhead-1). Ainsi, en modulant l'activité de la succinate déshydrogénase et, par conséquent, le couplage métabolique entre la β -oxydation mitochondriale et les activités de la chaîne respiratoire, la voie de signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 interagit avec la chaîne d'oxydoréduction mitochondriale pour moduler l'expression de gènes impliqués dans la résistance au stress oxydant (Figure 1).

Conclusion

La régulation de la β -oxydation par la voie de signalisation lysosomale LIPL-4-LBP-8 augmente la production des FRO, ce qui induit des voies de signalisation impliquées dans l'adaptation au stress oxydant telles que les voies dans lesquelles les facteurs de transcription HIF ou JNK ont un rôle important [5]. Or, l'activation de la voie de signalisation JNK est un mécanisme clé en réponse aux FRO, mécanisme qui protège les cellules contre les dommages oxydatifs et favorise la longévité chez *C. elegans* [6]. L'ensemble de ces résultats conduisent à proposer un mécanisme moléculaire par lequel les lipides lysosomaux régulent l'activité mitochondriale et activent ainsi une signalisation qui amé-

liore l'homéostasie métabolique et redox, ce qui conduit à une augmentation de la longévité. Ainsi, le bon fonctionnement du dialogue entre les voies de signalisation lysosomale et mitochondriale est crucial pour l'homéostasie redox et métabolique et constitue un facteur de longévité. ♦

Lysosomal signaling allows inter-organelle cross-talk that optimizes metabolic activity and redox homeostasis, and increases longevity in *Caenorhabditis elegans*

LIENS D'INTÉRÊT

Les auteurs déclarent n'avoir aucun lien d'intérêt concernant les données publiées dans cet article.

RÉFÉRENCES

1. Litke R, Boulanger E, Fradin C. *Caenorhabditis elegans*, un modèle d'étude du vieillissement. *Med Sci (Paris)* 2018 ; 34 : 571-9.
2. Ramachandran PV, Savini M, Follick AK, *et al.* Lysosomal signaling promotes longevity by adjusting mitochondrial activity. *Dev Cell* 2019 ; 48 : 685-96.e5.
3. Follick A, Oakley HD, Yu Y, *et al.* Lysosomal signaling molecules regulate longevity in *Caenorhabditis elegans*. *Science* 2015 ; 347 : 83-6.
4. Bezawork-Geleta A, Rohlena J, Dong L, *et al.* Mitochondrial complex II: at the crossroads. *Trends Biochem Sci* 2017 ; 42 : 312-25.
5. Hwang AB, Lee SJ. Regulation of life span by mitochondrial respiration: the HIF-1 and ROS connection. *Aging* 2011 ; 3 : 304-10.
6. Wang MC, Bohmann D, Jasper H. JNK Signaling confers tolerance to oxidative stress and extends lifespan in *Drosophila*. *Dev Cell* 2003 ; 5 : 811-6.